



[illegible]

Query Match	7.28;	Score 67.6;	DB 10;	length 640681;
Best Local Similarity	44.28;	Pred. No. 0.021;		
Matches	367;	Conservative	0;	Mismatches 459; Indels 4; Gaps 2;
Qy	35	AAAACTAAATATTAATCATTTATTAATTTCTTAATTAACAGAAATCGATTTTAA	94	
Db	518859	ACATGMAAACAAATATAAAAAAATTTGAAATCCAGTCAACAAAGCAGTTAAAT	518918	
Qy	95	CTACTACTGCTATTTCATGTATTCCTCGTAGCAGTAATACATTTAAATTAAAGGAAAAA	154	

Dd	518919	CATATGACCGGTGAACATTAAATTATGTGATTTATGAAAAAATAAATAAATAAATAAAT	518978
Qy	155	TGAAAAGATTAAACATCATCAAAATAGTTTTCATAATTAACAGTCATAGTATTCCTACT	214
Dd	518979	TTGATTAAGACAACTATTAGTTTATTTGTTATCTAAAAACAACTGATGCCCAATTAAATT	519038
Qy	215	ATTTCACCTATCATCAAGTGACCTGTACGAAGACATTCGATGTGTTAAAGCATTTTAC	274
Dd	519039	ATAAATATATCATATCTATTTTGTTAATGACATTTATTTTTTAAATATAAATTTTCATGCCG	519098
Qy	275	TTTATGATACATCATTAACCTCCTTATGATTTATAAAGTTTGAAGGTAAATTTTTCACGA	334
Dd	519099	TTTCATCCGAAAAAAGAACATCAAAATTAAGATATAACATTTAAATAAATAATTTATAAAA	519158
Qy	335	CACACACATTAAACATTTGATCTCAAAAATTTAGAGGAAAGCATCTTTATTTAGTTCCG	394
Dd	519159	TTGAAAAAACAACAATTAGAATCAGAAAAAAGTATATAAATAAACATCCACGAAAAAA	519218
Qy	395	AAATGCTTTAGAGCCCTCTCAAAAATTTAAACGAGATCATGTAGATGTTTTGGAT	454
Dd	519219	AAACGATTTCAACGCACTTCAACCACTAAAAATATCTCTATCAACAATCAATATAA	519278
Qy	455	TATTTTATA---TTCCTATTCTCACCGCGTGAACATCTATGAGGATTAATGACCGTG	511
Dd	519279	TAACTGATTAATATTAGAAAAATCAATCATCAAAAAATTCGTTGAAAAAATAATTTCTAT	519338
Qy	512	CTCAAAATTAATTAAGTAATCTATAAATTTTGGAAATCTATTTATTTGGCGAAATCTC	571
Dd	519339	TGCTCCCTCCCTCTTTTATTTCAAAAAAGAAATTAATAATTTATATTAACAATACACAAAC	519398
Qy	572	AACACAACCTAAATAACAAGATTTATTTCTGAAAAAGATATCCGAATTTCCAGGAATTG	631
Dd	519399	AATATCAAGAAAGAAATTTCTAATTTTATTTAGAAAAAATAATACACATGAGCTTGTGATTCAG	519458
Qy	632	ACTTTAAATCAAGAAATACCTTTATGATTAATTTATAAATTTATGACGCTACTTCTCTT	691
Dd	519459	AAGTTAAAAAAGATTTGTA-TTTTCAATTTATATATGAAACAATTTATTTTAATTAATAAA	519517
Qy	652	ATGTAAGCGCGAATCGAAATTTGGCACAAAGATGGGAACCTGAGCAATTAGACTTAT	751
Dd	519518	TTATTTGACAGATGAATAATTAACATCCAAAAATTAATCAAAAAAATATCTCAAAFTTTAAA	519577
Qy	752	TTGATCTACCAATGAGAGCTAGATCGATATTTTTCAAAATTTAAAGATTAATAGAA	811
Dd	519578	AAOCCCATGCAATATATTAATTTATTTATTAATAAATAAATAATCTTAAAAATACTATGAAA	519637
Qy	812	TTATCAATATGGAAGACTTTAGCTATTTGCGATATTTATCTTGAAAAATAA	861
Dd	519638	AATATATGAATTTGAAAGACACAGCACTGTTATTTAAAAAAGATTTTAA	519687

```

? RESULT 3
? US-10-311-455-494/C
? Sequence 494, Application US/10311455
? Publication No. US20030143606A1
? GENERAL INFORMATION:
? APPLICANT: OLEK, Alexander
? APPLICANT: PIEPENBROCK, Christian
? APPLICANT: BERLIN, Kurt
? TITLE OF INVENTION: Diagnosis of Diseases Associated with the Immune System by Det
? FILE REFERENCE: 5013.1014
? CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/311.455
? CURRENT FILING DATE: 2002-12-16
? PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07537
? PRIOR FILING DATE: 2001-07-02
? PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7
? PRIOR FILING DATE: 2000-06-30
? PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1
? PRIOR FILING DATE: 2000-09-01
? NUMBER OF SEQ ID NOS: 2424
? SEQ ID NO 494
? LENGTH: 16750

```

```

; TYPE: DNA
; ORGANISM: Artificial Sequence
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA (Homo sapiens)
US-10-311-455-494

```

Query Match	7.1%;	Score 66;	DB 12;	Length 16750;
Best Local Similarity	43.7%;	Pred. NO. 0.013;		
Matches 399;	Conservative 0;	Mismatches 505;	Indels 10;	Gaps 2;

Oy	13	TTTAAATGGAACTGCCCTCCTTAAAACTAAATATTAATTAATGACATTTTAAAT -ATTTCCTA	70
Db	6717	TTTAAATATATCATTTCTTTTCTTAAACACACCTCTTAATTAATTTACCACTGTAAAAA	6658
Oy	71	AATTAACAGAAATCTGATTTTAACTACTTACTGCTATTTTCATGTATTTCTGTCAGAGTA	130
Db	6657	AATCAAAATATATATCTTCTTCCACATCTATATACATCTCTACCTCATCTTCTCTAAAAATTT	6598
Oy	131	ATACATTTAATTAAAGGAGAAAAATGAAAAAGATTAAACATCATCAAAATAGCTTTTCATTA	190
Db	6597	TAAAAAATATTTTATATCTATATAAATAAATATACATATTTTACAAATTAACATATTTAATAA	6538
Oy	191	TTACAGCATCTACATCTTCTACTATTTTACCTTACCTCATCTCAAGAGACGTCTAAGAACGA	250
Db	6537	ATTATTAATCTTTTATTTATTTAAATTTAATTTAATTTATATTTACTTAAATATATATAATTA	6478
Oy	251	TTTCGAATGTTTAAAGATTTTACTTTATGATATGCATATACCTCTTATGATTTATAAG	310
Db	6477	ACACTAAACCTTAAATGCAAAAAATTTAATTAATTAACCTCAGTACTTAAAAAACCAACAAA	6418
Oy	311	ATTCCAGGGTAAATTTTTCACAGCACACACATTAAACATTGATACTCAAAAATATAGAG	370
Db	6417	AATTTTACTTTTAAACCTTTAATTCATTAATCTTTTAAATTAATTAATCAATTTATATAAAAT	6358
Oy	371	GGAAGACATATATATAGTTCCGAATATGCTTATGAGGCTCTCAAAATTTTAAACGAG	430
Db	6357	CAAAAAATATTAATCTTTAAAAAACTATACAAAAAATAATTAATATATATATATCTTA	6298
Oy	431	ATGATTCATGTGATGTTTGTGGATTAATTTATTTCTTAATTTCTCACACCGGTAGTACA	490
Db	6297	AAATTCATATTTAATCTA-----ATTCTTATTTTAAATTAATACACTTACCTCCAAA	6246
Oy	491	TCATGAGAGATTTACGCTGCTCAAAATAATTAAGTAATCATTAATTTATTTGGAAATC	550
Db	6245	CCATATATTTCTCTAATATCTATTAATAATCAAAAAAACAATATTATTTAAAAAT	6186
Oy	551	TATTTATTTGGGAGATCTCACAAGAACTTAATTAACAGATTAATTTACAAAAAGGTA	610
Db	6185	TATTTAATTTCTAATTAACAAAAACAATTTACAAAAATTAATCTCAATTAATTAATTAACAT	6126
Oy	611	TCGTAACTTTCACAGAAATGTGACTTTAAATCAGAAATATACCTTATGATTAATTAATA	670
Db	6125	TCATTAATAAAAAAATTTATTCATATAATATATTTCAAAACAATTAATTAATTCATACAA	6066
Oy	671	TTTATGACGCTACTCTCTTATGTAAAGCGGAGATTCGAATTTGGACAAAAAGATGGGA	730
Db	6065	AATTAATAATCATCTCTACCTAAATTTCTCATCTTAAAAAATAATTAATAATTAACAATA	6006
Oy	731	AACATGAGCAATAGACTTATTTGACACACCAATGAAGGACATAGATCAATATTTTGG	790
Db	6005	TAAATATTAATAAAAAATCTTTTACAAATATATAAATAAATAATCATAAATTTAAAAAATA	5946
Oy	791	CAAAATATTAAGATTAATGAATTTATCATATATGAGAAGACTTATGATTTTCATATTTATC	850
Db	5945	TAAATTAATAATAAAAAAAGCTATTTCTTAACAAAAACATTAACCAATACCATTTCTAATA	5886
Oy	851	TTGAAAAATATTCATCATACACAAAAAACCAGCAGATATATCTGAGCGGTTTGTCTT	910
Db	5885	AATACTATAATCTACTAATAATTAATAATTTACAAAAAACAATAATATTTTAAAAAAC	5826
Oy	911	ATCTCGAGCTTTA 924	
Db	5825	ATCTAGCAGCATTTA 5812	

RESULT 4  
US-10-311-455-1446/C

Query Match	6.9%	Score 64.6	DB 12	Length 6106
Best Local Similarity	45.7%	Pred. No. 0.017		
Matches 306	Conservative	0	Mismatches 354	Indels 9
				Gaps 2

Oy		6	TTGACATTTAAATGAAGACTGGCACCCTCCAAAACCTAATAATATTAATATACATTATTAAT	65
Dd		1163	TTACCATTTTTAAAACTATCACTCTTTCACCTATTAATAAATTAACAATAAAAAAATCT	110
Oy		66	TTCATAATAAACGAATATCGATTTTTTAACCTACTAGCTATTTGCATGTATTCGTAC	125
Dd		1103	ACTTTATTCGAATATTTCTCCAAATTCGTAAAAATTTAAAAATCATTTCATCTCCCTAAA	104
Oy		126	GAGTAATACATTTTAATTAAGAGAAAAATGAAAAAGATTAACTATCAATCAAAATAGTTTT	185
Dd		1043	AATACCTACCTCAAAAAACAACCAAATAAAAAATAAAAATACAAATACCTCTTCTAATAT	984
Oy		186	CATAATTTACGTCATCTACTGATTTCTTGACTATTTCACCTATCATCAAGAAGTACTAAGAA	245
Dd		983	TTATATTTTTRCAAAATCTAACTTTATAAAATATTTATCTTAACGTAAAAATTTACAAACAA	924
Oy		246	AGACATTTGCAATGTTAAAGAAGTATTTACTTATGTCATACCTTAATCTCCTTTGATTA	305
Dd		923	ATTTAATTAATAATTAATAAATTTCTTAAATTCATCTCAATAAAAAAATTTATATTAATA	864
Oy		306	TAAAGATTGCAGGGTAATTTTTTCAACGACACACATTAACATGTAATCTCAAAAAATA	365
Dd		863	AAAAAAAAAAAAATTAATTTTATTTTACCGCATTTTTTAATTAACGTCTAAAAATAAACTT	804
Oy		366	TAAAGGGAAGACTATATATATAGTTCGCAAAATGCTTATGAGGCCCTCTCAAAATTTAA	425
Dd		803	TAAAAATAACTCCCTACTTACTCTCTT-----TCTTAAAAATTCAAAAACCTATVAT	752
Oy		426	ACGAGATGATCATGTAGTGTGTTGGATTTATTTATATTCCTTAATTCCTCACACGGTGA	485
Dd		751	TCACATTTAAATCTCTTTATTCGATTAATATATATATATATTAATATATATATATATAC	652
Oy		486	GTACATCTATGAGGAATTAGCCGCTCCAATATTAAGTAATCAATAATATTATTGGG	545
Dd		691	ATATATCTATATATCAAAATACATATATATATAACATATACGCCAACCATATTTCTATTTA	632
Oy		546	AAATCATATTTATTGGGGAATCTCAACAGACTTAATAATCAAGAATATTCTAGAAA	605
Dd		631	AAACATATATATATATATATATATACAAAAATATTTTACTTC--ATATACCTTTTAAAA	573

Qy	606	GGATTCAGTACCTTCGAGAAATGACCTTAATCAGAAATACCTTAGTATATTA	665
Db	572	CTAAATCATTTCTTCTATATAAAAAACATATTACACTTAACACAAACCAAAACACA	513
Qy	666	TAAATTTA	674
Db	512	TTTCTTTA	504

RESULT 5  
US-10-240-485-176/c  
; Sequence 176, Application US/10240485  
; Publication No. US20030148327A1  
GENERAL INFORMATION

```

APPLICANT: OLEK, Alexander
APPLICANT: PIEPENBROCK, Christian
APPLICANT: BERLIN, Kurt
TITLE OF INVENTION: Diagnosis of Diseases Associated with
TITLE OF INVENTION: Metastasis
FILE REFERENCE: 5013.1007
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/240.485
CURRENT FILING DATE: 2002-10-02
PRIORITY APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/03970
PRIORITY FILING DATE: 2001-04-06
PRIORITY APPLICATION NUMBER: DE 10019058.8
PRIORITY FILING DATE: 2000-04-06
PRIORITY APPLICATION NUMBER: DE 10019173.8
PRIORITY FILING DATE: 2000-04-07
PRIORITY APPLICATION NUMBER: DE 10035229.7
PRIORITY FILING DATE: 2000-06-30
PRIORITY APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1
PRIORITY FILING DATE: 2000-09-01
NUMBER OF SEQ ID NOS: 202
SEQ ID NO 176
LENGTH: 23683
TYPE: DNA
ORGANISM: Artificial Sequence
FEATURE:
OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA (Homo sapiens)
US-10-240-485-176

```

Query Match	6.98;	Score 64.4;	DB 12;	Length 23683;
Best Local Similarity	44.98;	Pred. NO. 0.029;		
Matches 326; Conservative	0;	Mismatches 396;	Indels 4;	

22 AACTGCCACTCCTAAAAACTAAATATAAATACATTTATAAATTTCTAAATTAACAGAA 81.

Db 19843 AACAAAAAACCATATATATATCAACTTCACATATATACAATCAATTCATAAAA 197

82 ATCTGATTTTAACTACTTACTGCTATTTCATGTAATTCCTGTCAGAGTAATACATTTAAT 141

D6 19783 ATCTTAATTTAAATCAATTCATAAAAACAATAATAAAAAATTAATTACCAAAAT 1977

142 TAAGCAGAAAAATCAAAAGATTACATCATCAAAATAGTTTCATAAATTACAGTCATA 201

D5 19/23 AAAAATAAAAATAAAAATTTAAAAATATAATAAT 196

202 CTGATTTCTACTATTATTCACCTATCATCTCAAGTGACTCTAGAAAGACATTTGGAATGTT 261

13003 TATTTCCAAAATATATAAATAATAATAATAAATTACATACATACAT 1960

202 AAAAGGATTTACCTTATGCAACACCTATACCTCCTTATGATTATAAGATTGCAGGGTA 321

1954 TATAATTAACTTTCTATTATA 1955

[illegible][illegible][illegible]

2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18 19 20 21 22 23 24 25 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36 37 38 39 40 41 42 43 44 45 46 47 48 49 50 51 52 53 54 55 56 57 58 59 60 61 62 63 64 65 66 67 68 69 70 71 72 73 74 75 76 77 78 79 80 81 82 83 84 85 86 87 88 89 90 91 92 93 94 95 96 97 98 99 100 101 102 103 104 105 106 107 108 109 110 111 112 113 114 115 116 117 118 119 120 121 122 123 124 125 126 127 128 129 130 131 132 133 134 135 136 137 138 139 140 141 142 143 144 145 146 147 148 149 150 151 152 153 154 155 156 157 158 159 160 161 162 163 164 165 166 167 168 169 170 171 172 173 174 175 176 177 178 179 180 181 182 183 184 185 186 187 188 189 190 191 192 193 194 195 196 197 198 199 200 201 202 203 204 205 206 207 208 209 210 211 212 213 214 215 216 217 218 219 220 221 222 223 224 225 226 227 228 229 230 231 232 233 234 235 236 237 238 239 240 241 242 243 244 245 246 247 248 249 250 251 252 253 254 255 256 257 258 259 260 261 262 263 264 265 266 267 268 269 270 271 272 273 274 275 276 277 278 279 280 281 282 283 284 285 286 287 288 289 290 291 292 293 294 295 296 297 298 299 300 301 302 303 304 305 306 307 308 309 310 311 312 313 314 315 316 317 318 319 320 321 322 323 324 325 326 327 328 329 330 331 332 333 334 335 336 337 338 339 340 341 342 343 344 345 346 347 348 349 350 351 352 353 354 355 356 357 358 359 360 361 362 363 364 365 366 367 368 369 370 371 372 373 374 375 376 377 378 379 380 381 382 383 384 385 386 387 388 389 390 391 392 393 394 395 396 397 398 399 400 401 402 403 404 405 406 407 408 409 410 411 412 413 414 415 416 417 418 419 420 421 422 423 424 425 426 427 428 429 430 431 432 433 434 435 436 437 438 439 440 441 442 443 444 445 446 447 448 449 450 451 452 453 454 455 456 457 458 459 460 461 462 463 464 465 466 467 468 469 470 471 472 473 474 475 476 477 478 479 480 481 482 483 484 485 486 487 488 489 490 491 492 493 494 495 496 497 498 499 500 501 502 503 504 505 506 507 508 509 510 511 512 513 514 515 516 517 518 519 520 521 522 523 524 525 526 527 528 529 530 531 532 533 534 535 536 537 538 539 540 541 542 543 544 545 546 547 548 549 550 551 552 553 554 555 556 557 558 559 560 561 562 563 564 565 566 567 568 569 570 571 572 573 574 575 576 577 578 579 580 581 582 583 584 585 586 587 588 589 590 591 592 593 594 595 596 597 598 599 600 601 602 603 604 605 606 607 608 609 610 611 612 613 614 615 616 617 618 619 620 621 622 623 624 625 626 627 628 629 630 631 632 633 634 635 636 637 638 639 640 641 642 643 644 645 646 647 648 649 650 651 652 653 654 655 656 657 658 659 660 661 662 663 664 665 666 667 668 669 670 671 672 673 674 675 676 677 678 679 680 681 682 683 684 685 686 687 688 689 690 691 692 693 694 695 696 697 698 699 700 701 702 703 704 705 706 707 708 709 710 711 712 713 714 715 716 717 718 719 720 721 722 723 724 725 726 727 728 729 730 731 732 733 734 735 736 737 738 739 740 741 742 743 744 745 746 747 748 749 750 751 752 753 754 755 756 757 758 759 760 761 762 763 764 765 766 767 768 769 770 771 772 773 774 775 776 777 778 779 780 781 782 783 784 785 786 787 788 789 790 791 792 793 794 795 796 797 798 799 800 801 802 803 804 805 806 807 808 809 810 811 812 813 814 815 816 817 818 819 820 821 822 823 824 825 826 827 828 829 830 831 832 833 834 835 836 837 838 839 840 841 842 843 844 845 846 847 848 849 850 851 852 853 854 855 856 857 858 859 860 861 862 863 864 865 866 867 868 869 870 871 872 873 874 875 876 877 878 879 880 881 882 883 884 885 886 887 888 889 890 891 892 893 894 895 896 897 898 899 900 901 902 903 904 905 906 907 908 909 910 911 912 913 914 915 916 917 918 919 920 921 922 923 924 925 926 927 928 929 930 931 932 933 934 935 936 937 938 939 940 941 942 943 944 945 946 947 948 949 950 951 952 953 954 955 956 957 958 959 960 961 962 963 964 965 966 967 968 969 970 971 972 973 974 975 976 977 978 979 980 981 982 983 984 985 986 987 988 989 990 991 992 993 994 995 996 997 998 999 1000 1001 1002 1003 1004 1005 1006 1007 1008 1009 1010 1011 1012 1013 1014 1015 1016 1017 1018 1019 1020 1021 1022 1023 1024 1025 1026 1027 1028 1029 1030 1031 1032 1033 1034 1035 1036 1037 1038 1039 1040 104

QY	441	AGATGTTTTGGATTTATTTTATTTCTTAATCTTCACACCGGTGAGTACATCTATGGAGG	500
Db	19426	ATTTTCTACAAAAATTTCCCAATTAACGTTAACTACTACTAATCCGAAACACACTTCGAAA	1936
QY	501	AATTACCGCTCTCAAAATATAAAGTAAATCATAAATTTATGGGAATCTATTATTTTC	560
Db	19366	TCACTAATATATGGAACCAAAATAACTAAATATATAAAAATATCTCTGCTCCAGT	1930
QY	561	GGGAGAAATCTCAACAGACTTAATTAACAAGATATTCTGAAAAGATATGCGAACTTT	620
Db	19306	AACACTATATTATTTATAAACAACACACCGACGTTTCTAAACACTCTCTACAACTTA	1924
QY	621	CCAGGAATTGACTTTAAATCAGAAATACCTTATGGAATTAATTATAAATTTATGACGC	680
Db	19246	TCTTCACAACTAAATAAAAAACAACAAAAATACGCAAACTAAACCTTAATAATCTTAACCTG	1918
QY	681	TACTTCTCTTATTTAAGCGGACGAATCGAATTTGGCACAAAAGATGGCAACATGAGCA	740
Db	19186	TCTTTCACCGAATTACTTAATCTTAAATATTATATAACAAAAAATTTTTTTTTTTTCA	1912
QY	741	AATGGA 746	
Db	19126	AAAACA 19121	

RESULT 6  
US-10-311-455-952/c  
; Sequence 952, Application US/10311455  
; Publication No. US20030143606A1  
; GENERAL INFORMATION:

APPLICANT: OLEK, Alexander  
ADDICANT: PIREMBROV, Christian

APPLICANT: BERLIN, Kurt  
TITLE OF INVENTION: Diagnosis of Disease

FILE REFERENCE: 5013 1014

; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/311,455  
 ; CURRENT FILING DATE: 2002-12-16

;; PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07537  
;; PRIOR FILING DATE: 2001-07-02

;; PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7  
;; PRIOR FILING DATE: 2000-06-30

; PRIOR FILING DATE: 2000-09-01  
 ; PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1

NUMBER OF SEQ ID NOS: 2424  
; SEQ ID NO 952

TYPE: DNA

FEATURE:

US-10-311-455-952

Query Match	6.88;	Score 64;	DB 12;	Length 6963;
Best Local Similarity	43.09;	Prod No 0.003;		

Matches 368; Conservative 0; Mismatches 470; Indels 2; Gaps 2;

QY 40 CTAATATATAATACATTATAAAACTTCTAATAAACAGAATCTGATTTTAACTACT 99

D6 1221 CACACATATATAAATAATATCGTATATACCTATACAAACACTAATCGTTTACAATAAACCA 1162

QY 100 TACTGCTATTTTCATGTATTCCTCGTAGAGTAATACATTTTAATTAAAGGAGAAAAAATGAAA 159

D6  
1161 TTCTAATATCICATTCATCTTTTATTAAATAITTTATTAAATTATTTTAAATTTAAA 1102

160 AAGATTACACATCAAAATAGTTCATATAATACAGTCATACCTGATTTCTACTTATTTTC 219

1101 TAAATCAATAATCGCTTACATTTAATTAATACACATA-TATATCTTCATATTTA 1043

**27** ACCCTATCATGAGTGGACCTCATTGAAGAATTAACCTTTACTTTAT **279**

10742 GCCGAGGAGATGGTACCGCTTTCCGTAAATTTTCACTAATACAAATTTCTTAATATTAT 983

OY 280 GCATACACCTAATACCTCTTATGATTATTAAGATTCGACGGGTAATTTTTCACACACAC 339  
 Db 982 TTATCTCTTAAAAAATAATACCAAACTAACCTTACAACTTCACTTAAAAATAATATTT 923  
 OY 340 ACATTAAACATGTGATCTCAAAAAATATAGAGGGAAGACTATTTATTTAGTCCGAATG 399  
 Db 922 TAATATATATACATACATATATTTATTTCAAAATTAATAAATATATTTTTTTCTATACCT 863  
 OY 400 TCTTATGAGCCCTTCAAAAATTTAAACGAGATCATCATGTAGATGTTTTGGATTAATT 459  
 Db 862 AATATATATATACCTTCAAAAATTAACGTAACATTAATAATCAATCCCTATTTCTT 803  
 OY 460 TATATCTTAAATCTCACACCGGTGAGTACATCTATGAGGAATTAAGCCTGCTCAAAAT 519  
 Db 802 ATATCTTAAATTTTTCAAAAAAAATAATCTTAACATATATATATATCTAAATTAATATCA 743  
 OY 520 AATAAAGTAAATCATTAATTTATGGGAATCTATTTATTTCCGGAATCTCAACAGAC 579  
 Db 742 ATAAATACATCTACTATAATTAATAAATAATTAATAAATTAATTTCTCTTAACAAAT 683  
 OY 580 TTAATATAACAAGATTTATCTGAAGAAGATATCTGTAACCTTCCAGAAATGACTTTAA 639  
 Db 682 ATAAATTAACATATCTAAAAATAAATAAACAATAATTTCTCTA-TAACTAACCTTAAC 624  
 OY 640 ATCAAAAATACCTTATGATTAATTAATAATTTATGACGCTACTTCTCTTATGTAGC 699  
 Db 623 ATATAATTAATAAATAATACATTTCAAAATCAAAATATATTAATTTCAAAATTTCCAAAAATAC 564  
 OY 700 GGCAGAAATCGAAATTTGGACAAAGAATGGGAACATAGCAAAATAGACTTATTTGACTCA 759  
 Db 563 GATATCTTAATAATTTCAATTAACATTAATAAATAAACAATAAATAAATAATCATATTAATA 504  
 OY 760 CCAATGAGGAGCTAGATCAGATATTTTGGCAAAATATAAAGATTAATAGATATATCAT 819  
 Db 503 AACAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA 444  
 OY 820 ATGAAGAAGCTTTAGTCATTTGATATTTATCTGAAAAATTAATCATCATACACAAAAA 879  
 Db 443 TATATAAACAATAAATAAACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAACA 384  
  
 RESULT 7  
 US-10-311-455-1653/c  
 : Sequence 1653, Application US/10311455  
 : Publication NO. US20030143606A1  
 : GENERAL INFORMATION:  
 : APPLICANT: OLEK, Alexander  
 : APPLICANT: PIEPENBROCK, Christian  
 : APPLICANT: BERLIN, Rurt  
 : TITLE OF INVENTION: Diagnosis of Diseases Associated with the Immune System by Determining Methylation  
 : TITLE OF INVENTION: cytosine methylation  
 : FILE REFERENCE: 5013.1014  
 : CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/311.455  
 : CURRENT FILING DATE: 2002-12-16  
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07537  
 : PRIOR FILING DATE: 2001-07-02  
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7  
 : PRIOR FILING DATE: 2000-06-30  
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1  
 : PRIOR FILING DATE: 2000-09-01  
 : NUMBER OF SEQ ID NOS: 2424  
 : SEQ ID NO 1653  
 : LENGTH: 15951  
 : TYPE: DNA  
 : ORGANISM: Artificial Sequence  
 : FEATURE:  
 : OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA (Homo sapiens)  
 : US-10-311-455-1653

Query Match	6.8%;	Score	63.4;	DB	12;	Length	15951;
Best Local Similarity	45.9%;	Pred. No.	0.039;				
Matches 398;	Conservative	0;	Mismatches	461;	Indels	8;	Gaps
							5

QY	31	1CCCTAAAAGCTAAATATTAATACATTTATATAAAATTTCTTAATTAACACAAATCTGATTT	90
Db	14517	TACATGCAAAATATATATATATATTCGTATATACATACCCCATATATAATATATACGTAC	14458
QY	91	TTAACTACTTACTGCTATTCATGATATTCGTACAGATTAATCATTTATTAATTAAGAGAA	150
Db	14457	ATAA - AACGATATTCGATTTATATATATATTCGTATATTCATACCCCATATATAATATAT	14399
QY	151	AAAAATGAAAAAGATTAAACATCATCAAAATAGTTTCATATTAATACGTCACTGATTTCT	210
Db	14398	AAATATACATTAAGATGAATTAATTAATATATATATATATATATATATATATATATAT	14340
QY	211	ACTATTTTCACCTTCATCATCAAGAGCTCTAAGAAAGACATTTGCAATTTTAAAGTGT	270
Db	14339	ATATCATACCCCAATTAATTAATATATTAATACCTCATTAACATATTAATTAATATAT	14280
QY	271	TTACTTTATGCATACACTATTACTCCTATGATTTATTAAGATTCAGGGTAAATTTTCA	330
Db	14279	ATAGCTATATCATCCCATTAATTAATATATTAATTAATACATTAACATATTAATTAAT	14220
QY	331	ACGCACACACATTAACATTTGATACCAAAATATAGAGGGAAGACATATATATTAAT	390
Db	14219	A-TAT	14161
QY	391	TCCGAATATGCTTATGAGGCTCTCAAAAATTTTAACAGATGATCATGATGTTTT	450
Db	14160	AATTAACCATATTAATTTCTATATATATATATATATATATATATATATATATATAT	14101
QY	451	GGATTTATTTTATATCTTAATTCACACCGGAGTACATCTATGAGGAATTTACGCT	510
Db	14100	AAATATACATTAATAATTAATTAATATATATATATATATATATATATATATATATAT	14043
QY	511	GCTCAAAATTAATAGTAATCATTAATTAATTTGGAACCTATATTTTCGGAGCAATCT	570
Db	14042	CAATATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA	13983
QY	571	CACAGAACTTAATTAACAGATTAATCTAGAAAAGGATATCGTAATCTTCCAGAAAT	630
Db	13982	ACCCCAATTAATAATTAATTAATAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT	13923
QY	631	GACTTTAAATCAGAAATACCTATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT	690
Db	13922	TATATCACACCCCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA	13863
QY	691	TATGTAAGCGGAGCAATGAAATTTGGCACAAAAGATGGGAACATGAGCAAAATAGACTTA	750
Db	13862	TATTCATATATCATATCTCTATATATAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA	13803
QY	751	TTTGACATCACCAATTAAGGAGCTAGATTCAGATTTTTCGAAAAATTAATTAAGTAAATGA	810
Db	13802	TATATATATATATATATCA--CACCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA	13746
QY	811	ATTATCAATTAAGAACTTTAGCTATCTTGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT	870
Db	13745	AAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA	13686
QY	871	CACAAAAACCGCCGACATTAATCTGA	897
Db	13685	TAAATATCATTAACATTAATTAATTAATTA	13659

```

RESULT 8
US-10-240-485-133/c
; Sequence 133, Application US/10/240485
; Publication No. US20030148327A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: OLEK, Alexander
; APPLICANT: PIPENBROCK, Christian
; APPLICANT: BERLIN, Kurt
; TITLE OF INVENTION: Diagnosis of Diseases Associated with
; TITLE OF INVENTION: Metastasis
; FILE REFERENCE: 5013.1007

```

```

CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/240,485
CURRENT FILING DATE: 2002-10-02
PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/03970
PRIOR FILING DATE: 2001-04-06
PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10019058.8
PRIOR FILING DATE: 2000-04-06
PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10019173.8
PRIOR FILING DATE: 2000-04-07
PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7
PRIOR FILING DATE: 2000-06-30
PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1
PRIOR FILING DATE: 2000-09-01
NUMBER OF SEQ ID NOS: 202
SEQ ID NO: 133
LENGTH: 15951
TYPE: DNA
ORGANISM: Artificial Sequence
FEATURE:
OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA (Homo sapiens)
US-10-240-485-133

```

```

Query Match
Best Local Similarity 45.9%; Score 63.4; DB 12; Length 15951;
Matches 398; Conservative 0; Mismatches 461; Indels 8; Gaps 5;

```

```

QY 31 TCCATAAACTAATAATATATACATTTTAAATTTCTAATAAACAAGAAATCTGATTT 90
DB 14517 TACTAGCAAAATATATATATATATTCGTATATCATACCCCAATTAATTAATATACCTAC 14458
QY 91 TTACACACTTACTGCTATTTCTGCTATTCCTGACAGTATATACATTTAATTAAGAGAA 150
DB 14457 ATAA-AACGATATAGCATATATATATTTGCTATATCATACCCCAATTAATTAATAT 14399
QY 151 AAAATGAAAAGATTAAACATCATCAAAATTTCTAATTTACAGTACATGATTTCT 210
DB 14398 AAAATGAAATTAACATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 14340
QY 211 ACTTTTCCACTTATCATCAAGAGTACTTAAGAAAGACATTTGCAATGTTAAAGTAT 270
DB 14339 ATATCATACCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 14280
QY 271 TTACTTTATGCAATACATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 14280
DB 14279 ATACGTAATCATATACCCCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 14220
QY 331 ACACACACATTAACATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 14220
DB 14219 A-TATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 390
QY 391 TCCGAAATGCTTATGAGGCTCTCAAAAATTTTAAACGAGATGATGATGATGATTTT 450
DB 14160 AATTAACCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 14101
QY 451 GATTTTATTTATTTCTTATTTCTCACACCGGTGATCATCTTTGGGGAATTAACGCT 510
DB 14100 AAAATCATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 510
QY 511 GCTCAAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 14043
DB 14042 CAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 570
QY 571 CAACGAACTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 13983
DB 13982 ACCCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 630
QY 631 GACTTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 13923
DB 13922 TATATCATACCCCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 690
QY 691 TATGTAACGCGAAGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 13863
DB 13862 TATTCATATATATATATATATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 750

```

```

QY 751 TTGACTACCAAAATGAAGGACTAGATTCAGATATTTTGGCAAAATTAATTAATTAATTAAT 810
DB 13802 TATATATATATATATATCA---CACCCAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 13746
QY 811 ATATCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 870
DB 13745 AAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 13686
QY 871 CACAAAAACCCCGCAATTAATTCGA 897
DB 13685 TAAATATCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 13659

```

## RESULT 9

```

US-10-311-455-435/c
Sequence 435, Application US/10311455
Publication No. US20030143606A1
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: OLEK, Alexander
APPLICANT: PIEPENBROCK, Christian
TITLE OF INVENTION: Diagnosis of Diseases Associated with the Immune System by Det
FILE REFERENCE: 5013.1014
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/311,455
PRIOR FILING DATE: 2002-12-16
PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07537
PRIOR FILING DATE: 2001-07-02
PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7
PRIOR FILING DATE: 2000-06-30
PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1
NUMBER OF SEQ ID NOS: 2424
SEQ ID NO: 435
LENGTH: 9155
TYPE: DNA
ORGANISM: Artificial Sequence
FEATURE:
OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA (Homo sapiens)
US-10-311-455-435

```

```

Query Match
Best Local Similarity 44.3%; Score 63.2; DB 12; Length 9155;
Matches 391; Conservative 0; Mismatches 483; Indels 8; Gaps 3;

```

```

QY 1 CAACCTTGACTATTTAAATGGAAGTCCAGCTCTAAAAAACATTAATTAATTAATTAATTAAT 60
DB 8002 CTATCATATATTTCTTCAATTTTCTTAAATCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 7943
QY 61 AAAATTTCTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 120
DB 7942 TTCCCTTCAAAAAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 7883
QY 121 CGTACGAGTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 180
DB 7882 AAAAAAATTTTACTCTACCTCTTATAAAGTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 7823
QY 181 GTTTTCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 240
DB 7822 AATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 7763
QY 241 AAGAAACATTTTCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 300
DB 7762 TAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 7708
QY 301 GATTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 360
DB 7707 AACCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 7648
QY 361 AATATATAGGGAAGTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 420
DB 7647 TATTAATATATATATATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 7588

```

OY	2	ACCTTGACATTTAAATGAGACGCCACGCTCTTAAATATTAATTAATACATTTATA	61
OY	4353	AAATAATCAATTATTCATATTAATACCTTTAAATTCCTTAACACAAACTAAAAATCATTTAA	4294
OY	62	AAATTTCTAAATTAACAGAAATCGATTTTAACTACTCTACTGCTATTTTCATGTTCTC	121
Db	4293	TTATCATATATATACATCAATTAATTTATTTAAATTAATTAACACGCTTTTATTAATAATTA	4234
OY	122	GTACGAGTAATACATTTTAATTAAGGAGAAAAATGAAAAAGATTACATCATCAAAATAG	181
Db	4233	AAATATATATCTATTTAAATTAATTAATAAAATTAATAAAATTAATAAATTAACACAA	4174
OY	182	TTTTCTAATTTACAGTCATCTGATTTCTACTATTTCACCTATACATCAAAAGTACTCTA	241
Db	4173	ATATTAACA--ACAATTTATAAAATTTCTACTATATAAAAAACAAAAAATAAATTAACGTTA	4116
OY	242	AGAAAGCATTTGGAATGTTAAAGGATTTACTTTATGCAATACATATTAACGCTATG	301
Db	4115	TATTAATATTAATAATCAAAAAAATTTCTTTAAATTAATTAATTTAAACCACTGAT	4056
OY	302	ATTATTAAGATTCAGGGTAATTTTTCACGACACACATTAACATTTGATCTCAAA	361
Db	4055	ATATCATTAATAAATTAACCCAAATTAATAAAAAAACACAAATTTTCAAAACAAAAAATAAT	3936
OY	362	AATATAGAGGAAAGACTATTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA	421
Db	3995	ACTTACAAATAATTAATCTTTAAAAAACAATTAATAATTAATAAATTAATAAACAACAATTA	3936
OY	422	TTAAACGAGATGATCATGTAGATGTTTGGATTTATTTATTAATTTCAATTCACACCG	481

RESULT 11  
US-10-311-455-1353/c  
; Sequence 1353, Application US/1031145E  
; Publication No. US20030142606A1  
; GENERAL INFORMATION:  
; APPLICANT: OLEK, Alexander  
; APPLICANT: PIEPENBROCK, Christian





Db 744 TTAATAACAAGCTTTAAATTTTTCATATTAATAATTAATCTTTTAAATAACCTATTTTAAACATT 685

Oy 393 CGAATGTCTTATGAGGCCCTCTCAAAAATTTAAACGAGATGATCATGTATGTTTGG 452

Db 684 ACAAAATATATATTTTAAATTTTAAATTTAAACAACCTCATTCACAAACATTTATATACCAATTA 625

Oy 453 ATATATTTTATATTTCTTAATTTCTCACACCGGTGAGTACATCTATGAGAGAAATTTAGGCTTGC 512

Db 624 AACATATATATCACATTTCTATATACAAAAATTAATTTTCACCTTTAAAAAAAATCTATTTTC 565

Oy 513 TCAAAATTAATAGTAAATCATATAATTAATTTGGGAAATCTATTTATTTTCGGGAGAAATCTCA 572

Db 564 TAAAAATTAACAATAATTAATTTTACTCTAAAAAATATTTTATATTTTACTTTTACCATTT 505

Oy 573 ACACAACTTTAAATACAGAATTTATCTAGAAAAGATATGTAATCTTCCAGGAAATTTGA 632

Db 504 TCATTTTCATTTTACCAAAATTAATTAATTAACCAAAATTAATTTTCTCTCTATATAAATAAT 445

Oy 633 CTTTAAATATCGAATAATACCTTATGATTAATTTAATAATTTATGACGCTACTCTTCCCTTA 692

Db 444 TAAAAACAATATCAATTAATTTATTAATTTATTCACATTTTAATTAATTAATTAATTAATTTTC 385

Oy 693 TGTATAGGGCGAATTCGAATTTGGCACAAAAGATGGGAAACATGAGCAATTAAGACTTATTT 752

Db 384 AATATTTTCTCA-ACCGATTTTTTTACCAAAAACCACTTAAACAAATTAATTTTAAATTTATTT 326

Oy 753 TGACTCACCAAAATGAAAGGACTAGATCAGATTAATTTTGGCAAAATTAATTAAGATATAGAT 812

Db 325 TCTTTCTTTAATACAAAACGCAATACCTAAATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 266

Oy 813 TATCAATATGACAGACTTTTACTCTTTGATTAATTTATCTGAAAAATTAATTCATCATATCA 872

Db 265 CATTCCTTTTCTTAAACAACATCTTCTTAATAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATA 206.

Oy 873 CAA 875

Db 205 AAA 203

RESULT 13

US-10-311-455-490/c

Sequence 490, Application US/10311455

Publication No. US20030143606A1

GENERAL INFORMATION:

APPLICANT: OLEK, Alexander

APPLICANT: PIPENBROCK, Christian

APPLICANT: BERLIN, Kurt

TITLE OF INVENTION: Diagnosis of Diseases Associated with the Immune System by Determining the Cytosine Methylation Level of Specific DNA Sequences

FILE REFERENCE: 5013.1014

CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/311.455

CURRENT FILING DATE: 2002-12-16

PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07537

PRIOR FILING DATE: 2001-07-02

PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7

PRIOR FILING DATE: 2000-06-30

PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1

PRIOR FILING DATE: 2000-09-01

NUMBER OF SEQ ID NOS: 2424

SEQ ID NO 490

LENGTH: 5930

TYPE: DNA

ORGANISM: Artificial Sequence

FEATURE: chemically treated genomic DNA (Homo sapiens)

US-10-311-455-490

	6.6%;	Score	61.8 ;	DG	12; Length	5930;
Query Match						
Best Local Similarity	47.3%;	Pred.	No.	0.05%; Mismatches	312; Indels	7; Gaps
Matches	286; Conservative					
Oy      37 AACCAAAATPAAAATAACATTTCCTAATAAGCAGAATCGATTTTACT						96

Db	4813	AATATATATATATATTTAAATATATAAAATTAATTAATAAACTAATATATATATATATAT	4754
Oy	97	ACTTACTGCTATTTTCATGTATTTCTGACGAGTATACATTTAATTAAGGAGAAAAATG	156
Db	4753	ATATATTAATATATATTA-ATATATTAATTAACATTTATATATACATTCGATATATAAAT	4695
Oy	157	AAAAAGATTTACATCATCAAAATAGTTTGCATTAATTAACGACATGATTTTCATTTAT	216
Db	4694	ATTATATATATTTAATTAATTAATTAATTAATAACATAATAAAATTTATATTACTTATATAAATAT	4635
Oy	217	TTTCACTATCATCAAAAGTGAAGCTCTAGAGAAAGACATTTGCAATGTTTAAAGTGATTTACTT	276
Db	4634	AAAAAATACATTAATAATCTGCCCT-ATATATATATATATATATAATAAAATATTATATCTTA	4576
Oy	277	TATCATACACTATAACTCTTATGATTATTAAGATTGACAGGTAATTTTTCACAGACA	336
Db	4575	TTTCTAAACCCCTA-----ACATATAAAATTTTAAAAACCTTAATTAATCTTTAAACAAATAAA	4521
Oy	337	CACACATTAACATGTAGTACTCAAAATATATAGAGGAAAGACATTTATATTAGTTCGGAA	396
Db	4520	AATTAATTAATAAACTTTAATTAACATTCATTAATAAAATCTTAATAAAATATTTTATTTTTCATATA	4461
Oy	397	ATGCTTATAGAGGCGCTCAAAAATTTTAAACGAGATGATCATGTAGATGTTTTTGGATTTA	456
Db	4460	ATAAATTAATTAATTCACCTTCAAATTAATTTAAAAAAAACATCTTCACAAATTAATTAATAACT	4401
Oy	457	TTTTATATTTCTTAATTTCTCACACCGGTGAGTACATCTATAGSAGAAATTTACGCCCTGCACAA	516
Db	4400	TTTTTAATTAATAATTTTTTAATTCAAAAATTTAAATTCAAAAATTTTAATTAATTCATTAACAA	4341
Oy	517	AATATATAAGTAATATCAATTAATTTATGGGAATCTATTTATTTGGGAGAAATCTCCACAG	576
Db	4340	AATTAATAATTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAACAA	4281
Oy	577	AACCTTAATTAACAAGATTATTTCTAGAAAAGAGATATCGTAACCTTCCAGGAATTTGACTTT	636
Db	4280	AAAAAATTAATAAAACACATTAACAAAAAATTAATTAATTAATTTTAATTCAAAAAATATTAA	4221
Oy	637	AAAT 641	
Db	4220	CATAT 4216	

```

RESULT 14
; US-10-311-455-440/c
; Sequence 440, Application US/10311455
; Publication No. US20030143606A1.
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: OLEK, Alexander
; APPLICANT: PIEPENBROCK, Christian
; APPLICANT: BERLIN, Kurt
; TITLE OF INVENTION: Diagnosis of Diseases Associated with the Imm
; TITLE OF INVENTION: Cytosine methylation
; FILE REFERENCE: 5013.1014
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/311.455
; CURRENT FILING DATE: 2002-12-16
; PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07537
; PRIOR FILING DATE: 2001-07-02
; PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-30
; PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1
; PRIOR FILING DATE: 2000-09-01
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 2424
; SEQ ID NO 440
; LENGTH: 15373
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Artificial Sequence
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA (Homo sapiens)
US-10-311-455-440
Query Match 6.6%; Score 61.6; DB 12; Length 15373.
Best Local Similarity 44.3%; Pred. No. 0.083;

```

[illegible]

```

? FILE REFERENCE: 5013.1014
? CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/311.455
? CURRENT FILING DATE: 2002-12-16
? PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07537
? PRIOR FILING DATE: 2001-07-02
? PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7
? PRIOR FILING DATE: 2000-06-30
? PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1
? PRIOR FILING DATE: 2000-09-01
? NUMBER OF SEQ ID NOS: 2424
? SEQ ID NO 286
? LENGTH: 18683
? TYPE: DNA
? ORGANISM: Artificial Sequence
? FEATURE:
? OTHER INFORMATION: Chemically treated genomic DNA (Homo sapiens)
US-10-311-455-286

```

	Query Match	6.68;	Score 61.6;	DB 12;	Length 18683;	
	Best Local Similarity	45.78;	Pred. No. 0.088;			
	Matches	409;	Conservative	0;	Mismatches 469;	Indels 16; Gaps 5
OY	2	AACCTTGACTATTAAATGAGAACGCCGCCTCCTAAAACCTTAATAATATATACATTATATA	61			
Db	1033	AAATATCTAATATTTTTCCTCATATTAATCTACCCTAATAACCGTATAAAAATATTAAATCA	974			
OY	62	AAATTTCTAATATAACAGAAATCTGATTTTTTAAGTCTGTCCCTTTTCAATGATCTTC	121			
Db	973	AAATTAACCAAACAATTAATAAATTAATCTGTATACAAAACCTTTTATACAAATATCTTAAC	914			
OY	122	GTAGAGATTAATACATTTAAATTAAGAGCAAAAAT -GAATAAGATTACATCATCAATA	180			
Db	913	ATAATTTCTTAATATATCATTTTATATACACATATCTTACACCTACATAAATATATA	854			
OY	181	GTTTTCATTAATTACAGCATACGATTTCTACTTATTTGACCTATCATCAAGAAGTCT	240			
Db	853	ATTATCTTTATACCATTAATTAATAAATTAATAAATATCCAAATCTTATATATCAATCT	794			
OY	241	AAGAAGACATTTGATGATGTTAAAGTGTACTTTATGATACA ---CTATAACATCC	296			
Db	793	ACCGAATCATCTCTATATATTTAAACAAAAAATATATCTTAATATCTATATTTTCC	734			
OY	297	TATGATTAATAAGATTCGAGGCTAAATTTTTCACGACACACATTAACATGATAC	356			
Db	733	TTTATTAATATCAAAATTAATCTTAAAAAAATTAATACATTAACATTAATCAAAATTAACAT	674			
OY	357	TCAAAATATTAAGGGAAAGACTATTAATATAGTTCGAAATGCTTANAGGCCCTCA	416			
Db	673	TCCACACACATTAATAAATTAATAATCAATTAATTAATAAATTTTCAATTAATAAAC	614			
OY	417	AAAAATTAAGACATGATCATGTAGATGTTTTGGATTTTATTAATCTTAATTTCA	476			
Db	613	AAAAATTAATAAATAATTAATAATTAATAATACATCATCTTAATCTTATTAATTTAAC	554			
OY	477	CACCGGTAGTACATCTATGAGSAATTAACCGCTGCTCA -----AAATATAAAGT	527			
Db	553	AAACATATTAATATCTTTTAAACATTTTAATAACAAAAATATAAATTAATAATTAATTT	494			
OY	528	AAATCTTAATATTTGGAATCTATTTATTTGAGAGATCTCAACAGACTTAATTA	587			
Db	493	AAAAAAATTAACAAATCAAAATTAATATCTTTCCACCAAAAAACATAAATAAAAAA	434			
OY	588	CAAGATTAATCTGAAGAAAGATATCTTAACCTTCAGAGAAATGACTTTAAATACAAA	647			
Db	433	TAAAAATCATATAAATAAATAAATCTTA -TAAAAAAATTTATATCTTAACAAAAACA	375			
OY	648	ATACCTTAGATTAATTAATAATTTATGAGCTATCTTCCTATATTAAGCGCAGAA	707			
Db	374	TTTACTTTCCGAAATATATATTTTAAACAATCATATACAGAT -AAACCTTAACCA	316			
OY	708	CGAAATTTGCAAAAAGATGGGAAACATGAGCAAAATGACTTTTATGACATCAAAATGA	767			
Db	315	ATTAATAAATAAATAATTAATTAATTAATAAATTAATAAATAAATTTACATTAATTC	256			



**THIS PAGE BLANK (USPTO)**